

## Supplementary material

**Table S1:** Uncorrected (p-distance) matrix summarising *groEL* gene pairwise nucleotide distances of *Anaplasma* species

	[1]	[2]	[3]	[4]	[5]	[6]	[7]	[8]	[9]	[10]	[11]	[12]	[13]	[14]	[15]	[16]	[17]	[18]	[19]	[20]
[1] <i>Anaplasma</i> _sp._Strain_1 (warthog)																				
[2] <i>Anaplasma</i> _sp._Strain_2 (warthog)	0;0017																			
[3] <i>Anaplasma</i> _sp._Strain_3 (warthog)	0,0017	0,0035																		
[4] LC558321_ <i>Anaplasma</i> _sp._Om5_( <i>Ornithodoros</i> )	0,0104	0,0121	0,0087																	
[5] LC558322_ <i>Anaplasma</i> _sp._Om10_( <i>Ornithodoros</i> )	0,0138	0,0156	0,0121	0,0035																
[6] LC194128_ <i>Anaplasma</i> _ovis	0,1920	0,1903	0,1938	0,1955	0,1920															
[7] CP015994_ <i>Anaplasma</i> _ovis	0,1972	0,1955	0,1990	0,2007	0,1972	0,0087														
[8] CP006847_ <i>Anaplasma</i> _marginale	0,2163	0,2145	0,2180	0,2163	0,2128	0,0830	0,0882													
[9] CP001079_ <i>Anaplasma</i> _marginale	0,2163	0,2145	0,2180	0,2163	0,2128	0,0830	0,0882	0,0000												
[10] JQ839000_ <i>Anaplasma</i> _centrale	0,2180	0,2163	0,2197	0,2180	0,2145	0,0917	0,0830	0,0087	0,0087											
[11] CP001759_ <i>Anaplasma</i> _centrale	0,2180	0,2163	0,2197	0,2180	0,2145	0,0917	0,0830	0,0087	0,0087	0,0000										
[12] AF478129_ <i>Anaplasma</i> _platys	0,2353	0,2353	0,2370	0,2370	0,2405	0,2232	0,2232	0,2197	0,2197	0,2180	0,2180									
[13] AY044161_ <i>Anaplasma</i> _platys	0,2370	0,2370	0,2388	0,2388	0,2422	0,2249	0,2249	0,2215	0,2215	0,2197	0,2197	0,0017								
[14] NZ_CP046391_ <i>Anaplasma</i> _platys	0,2370	0,2370	0,2388	0,2388	0,2422	0,2249	0,2249	0,2215	0,2215	0,2197	0,2197	0,0052	0,0069							
[15] MK583950_ <i>Anaplasma</i> _sp._B251	0,2076	0,2093	0,2059	0,2076	0,2042	0,0415	0,0398	0,1073	0,1073	0,1055	0,1055	0,2336	0,2353	0,2353						
[16] MN701628_ <i>Anaplasma</i> _phagocytophilum	0,2301	0,2301	0,2318	0,2266	0,2266	0,2215	0,2215	0,2232	0,2232	0,2232	0,2232	0,1626	0,1644	0,1661	0,2353					
[17] CP000235_ <i>Anaplasma</i> _phagocytophilum	0,2353	0,2353	0,2370	0,2353	0,2353	0,2232	0,2266	0,2284	0,2284	0,2318	0,2318	0,1765	0,1782	0,1799	0,2370	0,0484				
[18] KY425449_ <i>Anaplasma</i> _bovis	0,2647	0,2630	0,2664	0,2647	0,2647	0,2595	0,2612	0,2561	0,2561	0,2561	0,2561	0,2076	0,2093	0,2076	0,2647	0,2007	0,2059			
[19] LC558323_ <i>Anaplasma</i> _sp._Aw5	0,2842	0,2825	0,2825	0,2756	0,2756	0,2669	0,2652	0,2478	0,2478	0,2478	0,2478	0,2669	0,2686	0,2669	0,2669	0,2548	0,2652	0,2686		
[20] CR767821_ <i>Ehrlichia</i> _ruminantium	0,2595	0,2578	0,2612	0,2647	0,2647	0,2699	0,2699	0,2889	0,2889	0,2889	0,2889	0,2612	0,2630	0,2612	0,2855	0,2561	0,2561	0,2785	0,3050	

**Table S2:** Uncorrected (p-distance) matrix summarising 16S rRNA gene pairwise nucleotide distances of *Anaplasma* species

	[1]	[2]	[3]	[4]	[5]	[6]	[7]	[8]	[9]	[10]	[11]
[1] <i>Anaplasma</i> sp. <i>Phacochoerus africanus</i>											
[2] LC5583 <i>Anaplasma</i> sp. Om5 ( <i>Ornithodoros moubata</i> )	0;003										
[3] CP0759 <i>Anaplasma centrale</i> str. Israel	0;042	0;042									
[4] CP0079 <i>Anaplasma marginale</i> str. Florida	0;039	0;039	0;008								
[5] CP5994 <i>Anaplasma ovis</i> str. Haibei chromosome	0;040	0;040	0;005	0;008							
[6] CP000235 HZ <i>Anaplasma phagocytophilum</i>	0;039	0;037	0;037	0;035	0;038						
[7] CP0463 <i>Anaplasma platys</i> strain S3 chromosome	0;038	0;041	0;039	0;038	0;039	0;013					
[8] GU937020 <i>Anaplasma bovis</i>	0;044	0;047	0;045	0;047	0;045	0;036	0;033				
[9] JX876644 <i>Anaplasma odocoilei</i> strain UMUM76	0;042	0;042	0;039	0;038	0;038	0;018	0;017	0;038			
[10] MT798603 <i>Anaplasma capra</i> isolate MC9	0;044	0;042	0;020	0;018	0;021	0;039	0;042	0;054	0;039		
[11] CR7678 <i>Ehrlichia ruminantium</i> strain Welgevonden	0;079	0;078	0;082	0;076	0;079	0;073	0;080	0;091	0;082	0;079	