

Supplementary Tables

Table S1. Allele number, size range in base pairs (bp), observed and expected heterozygosity of 28 novel microsatellite loci in seven mysticetes species.

Locus	Species	N	N _A	Range*		H _O	H _E
				Lower	Higher		
GATA19406	<i>Bphy</i>	7	4	301	311	0.71	0.75
	<i>Bacu</i>	8	4	291	307	0.5	0.56
	<i>Eaus</i>	8	2	291	295	0.12	0.12
	<i>Mnov</i>	8	6	291	319	0.75	0.76
	<i>Bmus</i>	8	1	276		0	0
	<i>Bbor</i>	8	1	276		0	0
	<i>Bmys</i>	8	4	287	299	0.75	0.7
GATA25072	<i>Bphy</i>	8	8	375	414	1	0.86
	<i>Bacu</i>	8	4	367	379	0.75	0.54
	<i>Eaus</i>	6	2	356	360	0.16	0.38
	<i>Mnov</i>	8	7	391	420	0.62	0.74
	<i>Bmus</i>	8	6	387	411	0.87	0.77
	<i>Bbor</i>	8	4	387	399	0.87	0.73
	<i>Bmys</i>	8	1	358		0	0
GATA29055	<i>Bphy</i>	8	1	146		0	0
	<i>Bacu</i>	8	1	150		0	0
	<i>Eaus</i>	6	2	119	146	0.17	0.15
	<i>Mnov</i>	7	6	146	204	0.71	0.7
	<i>Bmus</i>	8	2	134	151	0.13	0.12
	<i>Bbor</i>	8	2	146	151	0.38	0.49
	<i>Bmys</i>	8	3	143	151	0.13	0.54
GATA36068	<i>Bphy</i>	8	5	379	399	0.75	0.73

	<i>Bacu</i>	8	1	344		0	0
	<i>Eaus</i>	7	2	355	363	0.14	0.13
	<i>Mnov</i>	8	5	360	380	0.75	0.75
	<i>Bmus</i>	8	1	337		0	0
	<i>Bbor</i>	8	3	352	372	0.38	0.4
	<i>Bmys</i>	8	2	343	353	0.63	0.43
GATA3635	<i>Bphy</i>	8	4	317	333	0.5	0.65
	<i>Bacu</i>	8	5	317	337	0.5	0.73
	<i>Eaus</i>	8	6	301	329	0.5	0.76
	<i>Mnov</i>	7	6	307	335	0.71	0.81
	<i>Bmus</i>	8	1	297		0	0
	<i>Bbor</i>	8	4	305	321	0.38	0.62
	<i>Bmys</i>	8	7	300	322	0.88	0.79
GATA38314	<i>Bphy</i>	8	7	350	378	0.63	0.74
	<i>Bacu</i>	8	6	329	349	1	0.8
	<i>Eaus</i>	2	1	364		0	0
	<i>Mnov</i>	6	5	328	352	0.67	0.72
	<i>Bmus</i>	8	5	345	373	0.63	0.68
	<i>Bbor</i>	7	3	353	361	0.57	0.61
	<i>Bmys</i>	8	5	343	361	0.5	0.57
GATA43950	<i>Bphy</i>	7	3	425	433	0.71	0.62
	<i>Bacu</i>	4	2	359	363	0	0.5
	<i>Eaus</i>	2	2	366	416	0	0.5
	<i>Mnov</i>	8	7	293	413	0.88	0.84
	<i>Bmus</i>	8	6	385	413	1	0.8
	<i>Bbor</i>	0	0			0	0
	<i>Bmys</i>	0	0			0	1

GATA52422	<i>Bphy</i>	6	5	436	468	0.83	0.68
	<i>Bacu</i>	7	4	375	391	0.71	0.66
	<i>Eaus</i>	0	0			0	0
	<i>Mnov</i>	5	4	333	345	0.6	0.7
	<i>Bmus</i>	8	2	349	353	0.13	0.12
	<i>Bbor</i>	7	4	317	329	0.57	0.6
	<i>Bmys</i>	8	5	347	359	0.63	0.75
GATA5890064	<i>Bphy</i>	8	5	295	311	0.75	0.74
	<i>Bacu</i>	8	4	283	295	0.75	0.6
	<i>Eaus</i>	8	3	253	265	0.5	0.6
	<i>Mnov</i>	8	6	283	303	0.75	0.77
	<i>Bmus</i>	8	6	306	330	0.88	0.64
	<i>Bbor</i>	8	2	279	283	0.38	0.43
	<i>Bmys</i>	8	1	261		0	0
GATA5890240	<i>Bphy</i>	0	0			0	0
	<i>Bacu</i>	8	2	288	292	0.25	0.22
	<i>Eaus</i>	5	5	290	306	0.8	0.74
	<i>Mnov</i>	8	7	288	320	0.88	0.78
	<i>Bmus</i>	5	1	292		0	0
	<i>Bbor</i>	8	5	318	335	0.63	0.72
	<i>Bmys</i>	8	4	276	302	0.63	0.66
GATA5892687	<i>Bphy</i>	0	0			0	0
	<i>Bacu</i>	8	5	255	285	0.88	0.67
	<i>Eaus</i>	5	1	241		0	0
	<i>Mnov</i>	7	4	272	288	0.57	0.61
	<i>Bmus</i>	7	5	277	293	0.71	0.72

	<i>Bbor</i>	7	1	269		0	0
	<i>Bmys</i>	8	1	237		0	0
GATA5943219	<i>Bphy</i>	3	4	220	230	0.67	0.67
	<i>Bacu</i>	6	2	277	281	0.67	0.44
	<i>Eaus</i>	7	4	229	259	0.29	0.37
	<i>Mnov</i>	7	5	260	276	0.71	0.72
	<i>Bmus</i>	6	4	265	283	0.67	0.69
	<i>Bbor</i>	7	4	264	276	0.57	0.54
	<i>Bmys</i>	8	6	219	261	0.88	0.77
GATA5946992	<i>Bphy</i>	6	3	290	298	0.83	0.61
	<i>Bacu</i>	8	6	261	281	0.75	0.78
	<i>Eaus</i>	0	0			0	0
	<i>Mnov</i>	8	6	279	303	0.5	0.77
	<i>Bmus</i>	8	5	290	306	0.75	0.74
	<i>Bbor</i>	8	6	268	292	1	0.79
	<i>Bmys</i>	0	0			0	1
GATA5947654	<i>Bphy</i>	8	6	287	311	1	0.77
	<i>Bacu</i>	8	3	256	264	0.25	0.23
	<i>Eaus</i>	8	1	228		0	0
	<i>Mnov</i>	8	4	259	271	0.63	0.67
	<i>Bmus</i>	8	1	222		0	0
	<i>Bbor</i>	8	5	269	285	0.88	0.73
	<i>Bmys</i>	8	4	227	261	0.38	0.51
GATA5984139	<i>Bphy</i>	5	7	260	288	1	0.84
	<i>Bacu</i>	8	4	262	284	0.5	0.49
	<i>Eaus</i>	7	2	226	230	0.29	0.25

	<i>Mnov</i>	6	7	257	285	1	0.83
	<i>Bmus</i>	7	6	242	284	0.86	0.77
	<i>Bbor</i>	8	6	261	281	0.88	0.8
	<i>Bmys</i>	8	2	221	225	0.25	0.47
GATA6013633	<i>Bphy</i>	8	6	287	315	1	0.8
	<i>Bacu</i>	8	2	295	299	0.25	0.38
	<i>Eaus</i>	6	3	299	307	0.33	0.57
	<i>Mnov</i>	8	5	299	315	0.88	0.72
	<i>Bmus</i>	8	2	299	311	0.5	0.47
	<i>Bbor</i>	8	4	340	352	0.13	0.68
	<i>Bmys</i>	8	3	272	298	0.38	0.32
GATA6057581	<i>Bphy</i>	0	0			0	0
	<i>Bacu</i>	8	6	186	214	0.88	0.75
	<i>Eaus</i>	8	3	199	207	0.38	0.46
	<i>Mnov</i>	8	7	237	261	1	0.83
	<i>Bmus</i>	8	4	189	207	0.75	0.65
	<i>Bbor</i>	8	1	199		0	0
	<i>Bmys</i>	8	3	206	214	0.25	0.26
GATA6058119	<i>Bphy</i>	0	0			0	0
	<i>Bacu</i>	8	3	317	325	0.75	0.54
	<i>Eaus</i>	8	2	289	305	0.25	0.22
	<i>Mnov</i>	8	5	321	341	0.63	0.7
	<i>Bmus</i>	6	2	206	242	0.5	0.49
	<i>Bbor</i>	8	6	305	354	0.88	0.79
	<i>Bmys</i>	8	3	289	305	0.63	0.48
GATA6058394	<i>Bphy</i>	7	5	343	359	0.86	0.76

	<i>Bacu</i>	8	4	366	378	0.63	0.6
	<i>Eaus</i>	6	4	362	374	0.83	0.67
	<i>Mnov</i>	7	5	355	399	1	0.75
	<i>Bmus</i>	7	6	344	367	0.57	0.74
	<i>Bbor</i>	8	5	340	356	0.88	0.66
	<i>Bmys</i>	8	5	358	374	0.88	0.73
GATA6059012	<i>Bphy</i>	6	4	368	418	0.67	0.65
	<i>Bacu</i>	8	4	365	377	0.5	0.49
	<i>Eaus</i>	6	1	342		0	0
	<i>Mnov</i>	8	6	357	377	0.88	0.81
	<i>Bmus</i>	8	8	372	400	0.75	0.79
	<i>Bbor</i>	8	1	352		0	0
	<i>Bmys</i>	0	0			0	1
GATA6059993	<i>Bphy</i>	5	1	287		0	0
	<i>Bacu</i>	4	3	307	315	0.75	0.53
	<i>Eaus</i>	0	0			0	0
	<i>Mnov</i>	2	2	335	339	0.5	0.38
	<i>Bmus</i>	0	0			0	0
	<i>Bbor</i>	3	1	288		0	0
	<i>Bmys</i>	8	4	296	336	0.5	0.74
GATA6063318	<i>Bphy</i>	7	5	321	338	0.43	0.65
	<i>Bacu</i>	6	3	330	338	0.67	0.57
	<i>Eaus</i>	4	5	322	336	1	0.75
	<i>Mnov</i>	6	6	339	355	0.83	0.74
	<i>Bmus</i>	7	4	327	343	0.43	0.46
	<i>Bbor</i>	5	4	322	338	0.6	0.64
	<i>Bmys</i>	8	5	308	330	0.63	0.66

GATA6063862	<i>Bphy</i>	8	7	245	269	0.88	0.8
	<i>Bacu</i>	8	4	272	284	1	0.71
	<i>Eaus</i>	8	1	245		0	0
	<i>Mnov</i>	8	8	245	285	0.75	0.83
	<i>Bmus</i>	8	6	264	296	1	0.77
	<i>Bbor</i>	8	3	261	269	0.75	0.65
	<i>Bmys</i>	8	4	249	265	0.38	0.63
GATA6064765	<i>Bphy</i>	5	5	353	381	1	0.74
	<i>Bacu</i>	7	5	368	407	0.86	0.74
	<i>Eaus</i>	7	6	420	444	0.86	0.79
	<i>Mnov</i>	8	3	355	367	0.63	0.65
	<i>Bmus</i>	7	8	341	385	0.71	0.87
	<i>Bbor</i>	8	5	360	391	0.88	0.66
	<i>Bmys</i>	8	6	311	347	0.63	0.74
GATA6065910	<i>Bphy</i>	4	4	377	389	1	0.72
	<i>Bacu</i>	8	5	347	363	0.63	0.56
	<i>Eaus</i>	0	0			0	0
	<i>Mnov</i>	8	6	350	370	0.63	0.58
	<i>Bmus</i>	4	5	354	406	0.5	0.78
	<i>Bbor</i>	0	0			0	0
	<i>Bmys</i>	8	5	346	366	0.38	0.76
GATA6237777	<i>Bphy</i>	8	5	293	309	0.75	0.63
	<i>Bacu</i>	8	4	273	285	0.5	0.65
	<i>Eaus</i>	7	4	270	286	0.57	0.61
	<i>Mnov</i>	8	5	270	294	0.75	0.73
	<i>Bmus</i>	7	5	278	294	0.86	0.77

	<i>Bbor</i>	8	5	278	294	0.75	0.78
	<i>Bmys</i>	8	1	233	233	0	0
GATA91083	<i>Bphy</i>	8	3	199	207	0.75	0.57
	<i>Bacu</i>	8	4	179	195	0.63	0.63
	<i>Eaus</i>	8	3	199	207	0.38	0.46
	<i>Mnov</i>	6	5	179	207	1	0.68
	<i>Bmus</i>	7	6	179	235	1	0.76
	<i>Bbor</i>	8	2	171	195	0.5	0.47
	<i>Bmys</i>	8	2	184	196	0.38	0.49
GATA97408	<i>Bphy</i>	8	5	293	309	0.75	0.63
	<i>Bacu</i>	8	4	273	285	0.5	0.65
	<i>Eaus</i>	7	4	270	286	0.57	0.61
	<i>Mnov</i>	8	5	270	294	0.75	0.73
	<i>Bmus</i>	7	5	278	294	0.86	0.77
	<i>Bbor</i>	8	5	278	294	0.75	0.78
	<i>Bmys</i>	8	1	233	233	0	0

Notes: * Indicates that the length of the M13 (5'- TGT AAA ACG ACG GCC AGT-3') or the T7 (5'-TAA TAC GAC TCA CTA TAG GGC-3') are included in the length of the microsatellite fragment. Species' abbreviations: *Bphy* (*Balaenoptera physalus*), *Bacu* (*Balaenoptera acutorostrata*), *Eaus* (*Eubalaena australis*), *Mnov* (*Megaptera novaeangliae*), *Bmus* (*Balaenoptera musculus*), *Bbor* (*Balaenoptera borealis*), *Bmys* (*Balaena mysticetus*).

Table S2. STR loci used and their assignment of power to detect parentage.

STR loci	Species Isolated from	<i>Bmys</i>			<i>Mnov</i>			<i>Bphy</i>			<i>Bmus</i>		
		H_E	$P_{\text{NON-EXCL}}$	<i>IR</i>	H_E	$P_{\text{NON-EXCL}}$	<i>IR</i>	H_E	$P_{\text{NON-EXCL}}$	<i>IR</i>	H_E	$P_{\text{NON-EXCL}}$	<i>IR</i>
AC045 ^{&}	<i>Mnov</i>	0.72	0.68	0.07	0.74	0.66	0.07	-	-	-	0.52	0.87	0.03
AC082 ^{&}	<i>Mnov</i>	0.68	0.76	0.05	-	-	-	-	-	-	0.60	0.80	0.04
AC087 ^{&}	<i>Mnov</i>	0.74	0.66	0.07	0.80	0.58	0.09	0.69	0.74	0.05	0.57	0.82	0.04
AC137 ^{&}	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.85	0.48	0.10	-	-	-	0.67	0.73	0.06
Bmy16 ^f	<i>Bmys</i>	0.72	0.68	0.07	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Bmy19 ^f	<i>Bmys</i>	0.84	0.48	0.11	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Bmy26 ^f	<i>Bmys</i>	0.91	0.33	0.13	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Bmy33 ^f	<i>Bmys</i>	0.80	0.57	0.09	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Bmy41 ^f	<i>Bmys</i>	0.93	0.27	0.15	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Bmy42 ^f	<i>Bmys</i>	0.80	0.56	0.09	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Bmy58 ^f	<i>Bmys</i>	0.92	0.29	0.14	-	-	-	-	-	-	-	-	-
CA128 ^{&}	<i>Bphy</i>	0.57	0.82	0.04	-	-	-	-	-	-	0.67	0.77	0.05
CA141 ^{&}	<i>Bphy</i>	0.61	0.81	0.04	-	-	-	0.70	0.73	0.05	0.53	0.85	0.04
CA232 ^{&}	<i>Mnov</i>	0.76	0.65	0.07	-	-	-	0.58	0.83	0.04	0.71	0.70	0.06
CA234 ^{&}	<i>Mnov</i>	0.80	0.57	0.09	0.73	0.69	0.06	0.82	0.54	0.09	0.71	0.70	0.06
EV001 ^o	<i>Pmac</i>	-	-	-	0.63	0.79	0.05	0.84	0.49	0.10	-	-	-
EV037 ^o	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.87	0.42	0.12	0.86	0.46	0.11	0.53	0.84	0.04
EV094 ^o	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.68	0.74	0.05	0.92	0.31	0.14	-	-	-
EV096 ^o	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.80	0.57	0.09	-	-	-	-	-	-
GATA028 [¥]	<i>Mnov</i>	0.84	0.49	0.10	0.46	0.88	0.03	0.88	0.41	0.12	0.82	0.54	0.09
GATA053 [¥]	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.85	0.49	0.10	-	-	-	-	-	-
GATA098 [¥]	<i>Mnov</i>	0.63	0.77	0.05	0.65	0.75	0.06	0.74	0.66	0.07	0.67	0.74	0.06
GATA19406 ^a	<i>Mnov</i>	0.64	0.80	0.04	0.72	0.69	0.06	0.84	0.51	0.10	n/a	n/a	-

GATA25072 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.84	0.49	0.10	0.88	0.41	0.12	0.74	0.67	0.07
GATA3635 ^α	<i>Mnov</i>	0.78	0.60	0.08	-	-	-	-	-	-	-	-	-
GATA38314 ^α	<i>Mnov</i>	0.85	0.47	0.11	0.71	0.71	0.06	0.83	0.52	0.09	0.82	0.54	0.09
GATA417 [‡]	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.86	0.46	0.11	0.87	0.42	0.12	0.87	0.44	0.11
GATA43950 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.88	0.40	0.12	0.61	0.79	0.05	0.81	0.55	0.09
GATA52422 ^α	<i>Mnov</i>	0.69	0.73	0.06	0.70	0.73	0.05	0.86	0.44	0.11	0.44	0.90	0.03
GATA5947654 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	-	-	-	0.79	0.59	0.08	-	-	-
GATA5984139 ^α	<i>Mnov</i>	0.49	0.88	0.02	-	-	-	0.84	0.50	0.10	-	-	-
GATA6059012 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	-	-	-	0.76	0.65	0.07	0.80	0.58	0.08
GATA6063318 ^α	<i>Mnov</i>	0.66	0.76	0.05	0.81	0.54	0.09	0.77	0.61	0.08	0.76	0.63	0.08
GATA6063862 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.71	0.70	0.06	-	-	-	0.88	0.40	0.12
GATA6064765 ^α	<i>Mnov</i>	0.77	0.61	0.08	-	-	-	0.84	0.50	0.10	0.91	0.33	0.14
GATA6237777 ^α	<i>Mnov</i>	0.80	0.58	0.08	0.83	0.52	0.09	0.43	0.91	0.02	-	-	-
GATA91083 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.79	0.59	0.08	0.62	0.80	0.04	0.78	0.60	0.08
GATA97408 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.76	0.63	0.08	0.78	0.62	0.08	0.79	0.60	0.08
GT011 [□]	<i>Mnov</i>	0.60	0.82	0.04	0.80	0.58	0.08	0.84	0.50	0.10	0.78	0.59	0.08
GT015 ^α	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.78	0.61	0.08	-	-	-	-	-	-
GT023 [#]	<i>Mnov</i>	0.74	0.67	0.07	0.80	0.58	0.08	0.78	0.60	0.08	0.83	0.54	0.09
GT101 [#]	<i>Mnov</i>	0.79	0.58	0.09	0.71	0.69	0.06	-	-	-	0.69	0.72	0.06
GT122 ^{&}	<i>Bphy</i>	0.68	0.74	0.05	-	-	-	-	-	-	-	-	-
GT129 ^{&}	<i>Bphy</i>	0.62	0.81	0.04	-	-	-	-	-	-	-	-	-
GT195 [#]	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.62	0.81	0.04	-	-	-	-	-	-
GT211 [#]	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.79	0.60	0.08	0.81	0.56	0.09	-	-	-
GT271 [#]	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.51	0.86	0.04	0.65	0.75	0.06	0.53	0.86	0.03
GT310 [#]	<i>Mnov</i>	0.60	0.81	0.04	0.52	0.87	0.03	0.72	0.67	0.07	0.51	0.87	0.03
GT541 ^{&}	<i>Mnov</i>	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0.73	0.68	0.07
GT575 [#]	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.73	0.66	0.07	0.70	0.72	0.06	0.63	0.79	0.04

TAA031 [‡]	<i>Mnov</i>	-	-	-	0.78	0.61	0.08	-	-	-	-	-	-
TAA023 [‡]	<i>Mnov</i>	-	-	-	-	-	-	0,77	0.62	0.08	-	-	-
TR3G2*	<i>Egla</i>	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0.76	0.63	0.07

Notes: *Mnov* denotes *Megaptera novaeangliae*, *Bmyst* denotes *Balaena mysticetus* and *Bm*, *Balaenoptera musculus*, *Bphy*, *Balaenoptera physalus*, *Egla*, *Eubalaena glacialis*, *Pmac*, *Physeter macrocephalus*. H_E denotes expected heterozygosity, $P_{\text{NON-EXCL}}$, the non-exclusion probability of the first parent estimated with CERVUS (Kalinowski et al., 2007) and *IR*, informativeness of relationship. References; [‡](Bérubé et al., 1998); [#](Bérubé et al., 2000); [&](Bérubé et al., 2005); ^{*}(Frasier et al., 2006) ; [†](Huebinger et al., 2008); [‡](Palsbøll et al., 1997); [“]This study; [°](Valsecchi and Amos, 1996)

Supplementary Tables References

- Bérubé, M., Aguilar, A., Dendanto, D., Larsen, F., Notarbartolo di Sciara, G., Sears, R., Sigurjónsson, J., Urban-R, J., Palsbøll, P.J., 1998. Population genetic structure of North Atlantic, Mediterranean Sea and Sea of Cortez fin whales, *Balaenoptera physalus* (Linnaeus 1758): analysis of mitochondrial and nuclear loci. *Mol. Ecol.* 7, 585–599. <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/9633102>
- Bérubé, M., Jørgensen, H., McEwing, R., Palsbøll, P.J., 2000. Polymorphic di-nucleotide microsatellite loci isolated from the humpback whale, *Megaptera novaeangliae*. *Mol. Ecol.* 9, 2181–2183. <https://doi.org/10.1046/j.1365-294X.2000.01053.x>
- Bérubé, M., Rew, M.B., Skaug, H.J., Jørgensen, H., Robbins, J., Best, P., Sears, R., Palsbøll, P.J., 2005. Polymorphic microsatellite loci isolated from humpback whale, *Megaptera novaeangliae* and fin whale, *Balaenoptera physalus*. *Conserv. Genet.* 6, 631–636. <https://doi.org/10.1007/s10592-005-9017-5>
- Frasier, T.R., Rastogi, T., Brown, M.W., Hamilton, P.K., Kraus, S.D., White, B.N., 2006. Characterization of tetranucleotide microsatellite loci and development and validation of multiplex reactions for the study of right whale species (genus *Eubalaena*). *Mol. Ecol. Notes* 6, 1025–1029. <https://doi.org/10.1111/j.1471-8286.2006.01417.x>
- Huebinger, R.M., Patton, J.C., George, J.C., Suydam, R., Louis JR, E.E., Bickham, J.W., 2008. Characterization of 25 microsatellite loci in bowhead whales (*Balaena mysticetus*). *Mol. Ecol. Resour.* 8, 612–615. <https://doi.org/10.1111/j.1471-8286.2007.02015.x>
- Kalinowski, S.T., Taper, M.L., Marshall, T.C., 2007. Revising how the computer program CERVUS accommodates genotyping error increases success in paternity assignment. *Mol. Ecol.* 16, 1099–1106. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294X.2007.03089.x>
- Palsbøll, P.J., Bérubé, M., Larsen, A.H., Jørgensen, H., 1997. Primers for the amplification of tri- and tetramer microsatellite loci in baleen whales. *Mol. Ecol.* 6, 893–895. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294X.1997.tb00146.x>
- Valsecchi, E., Amos, W., 1996. Microsatellite markers for the study of cetacean populations. *Mol. Ecol.* 5, 151–156. <https://doi.org/10.1111/j.1365-294X.1996.tb00301.x>