

#Additional File S10: A pheromone sequences for all Leotiomycetes

>B_globosa_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>H_repandus_Aprot
MCTSSSNGLVNRNGPGSAAVSTISSIVKPEGSAAGKTKCLECDGVECCCIPIPCTVM*

>B_aclada_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_byssoides_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_calthae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_cinerea_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_convoluta_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_deweyae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_elliptica_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_fabae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_fragariae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_galanthina_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_hyacinthi_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_medusae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_narcissicola_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_paeoniae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_porri_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_pseudocinerea_Aprot
MCTSTSTGLVNRNGPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_sinoallii_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_squamosa_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_tulipae_Aprot
MCTSTSTGTVNRNPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_camelliae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKATNTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_shiraiana_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISNIVKGTNTTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_aucupariae_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTSTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_curreyana_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNSTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_duriaeana_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_fructicola_Aprot
MCTSNSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_fructigena_Aprot
MCTSNSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_laxa_Aprot
MCTSNSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_polystroma_Aprot
MCTSNSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_scirpicola_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_vacciniicorymbosi_Aprot
MCTSNSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGT SATGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>S_borealis_Aprot
MCTSTSTSLVNRNPGSAASSTISDIVKGG SATGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>S_cepivorum_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>S_glacialis_Aprot
MCTSTSTAGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>S_sclerotiorum_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>S_trifoliorum_Aprot
MCTSTSTGLVNRNPGSAASSTISDIVKGTNTTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_jacksonii_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTVSSIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_homoeocarpa_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTVSSIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_spSE16F4_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTVSSIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_monteithiana_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTVSNIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_spCPB17_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTISNIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>R_spNJR2017aWRK4_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTISNIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>R_spNRJ2017aBBW_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTISNIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>R_spNRJ2017aBVV2_Aprot
MCTSSSTLVNRNGPGSAASSTISNIVKGTNSTGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>R_sydowiana_Aprot
MCNSTSSTLVNRNGPGSAASSTISGLVKSDTNAPKCFSCDGVDCCCIPIPCTVM*

>R_agropyri_Aprot
MCTSSSSSSSSSSPSLVN>NNLPGSSASSTISSIVKGDAAGRTKCI ECDGYECCCIPIPC
TVM*

>R_commune_Aprot
MCISSSSSSSSPSLVN>NNLPGSFASSTISSIVKGDAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM
*

>R_secalis_Aprot
MCTSSSSSSPSLVN>NNLPGSSASSTISSIVKGDAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>RspMPIPUGEAT0058_Aprot
MCTSTSTLVNRNGPGSAASSTISSIVKGE GGAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_malorum_Aprot
MCTSTSSSTLVNRNGPGSAASSTISSIVKGE GGAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>N_avenae_Aprot
MCTSNSPLVNNLPGSAASSTIGSIVKGETAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>L_spMPISDFRAT0119_Aprot
MCTSTSQSSLVNRNGPGSAASSTISSIVKGE GGAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>B_jaapii_Aprot
MCTSTASSLVNRNGPGSAASSTISSIVKGAATGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>D_rosae_Aprot
MYASTPAPRGNCHGPGSAASATVSGIVKGE GSAGGKTKCIECDGYECCCIPLPCVVM*

>D_brunnea_Aprot
MCSSTSAPTLVNRNGPGSAAASTIESIVKGGPATGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>M_coronariae_Aprot
MCISAPAARVNRNGPGSAAASTVGSILVKGEGAAAGKTRCIECDGYECCCIPICVVM*

>A_macrosclerotiorum_Aprot
MYTSSSNGLVNRNGPGSSAAASTISSIVKPEVGASGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>P_spD728_Aprot
MCTSSSSILVNRNGPGSAAASTISSIVKPESGATGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>P_subalpina_Aprot
MCTSSSSSLVNRNGPGSSAAASTISSIVKPEVGASGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>M_scopiformis_Aprot
MCTSSTSVLVNRNGPGSAAASTISSIVKPESGGAGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>P_shiraiana_Aprot
MALGSIQLINHNGIETLGSSISSTTSTSPSFVKSQDIGKIKCFECDGISCCCIPICVVM
*

>P_moricola_Aprot
MASRILQFVNNNGSSITTSSTCSNNKPNPANAPSKIKCLECDGFQCCCIPICVVM*

>B_hordei_Aprot
MGISAFPPTLTANKPGSAAVSTVSSIVKPCDGASAPRKCIECDGFQCCCIPICVVM*

>B_graminis_Aprot
MGISASPPTLTANKPGSAAISTVSSIVKPEGASAPRKCIECDGFQCCCIPICIVM*

>P_leucotricha_Aprot
MLPLVNANKPGSAAASTISSLVKPDGAAGQTKCLECDGYQCCCIPICTVM*

>P_cerasi_Aprot
MLPTGNQPAASSTIASLVKPDAAAGPGQTKCLECDGYQCCCIPICTVM*

>P_xanthii_Aprot
MFPPIVNEKLGSAASTVSSMVKPDAAVSGKTKCLECDGYTCCCIPICTVM*

>H_variabilis_Aprot
MCTSISHSLVNRNGPGSAAASTISSIVKPEGGAAGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>H_bicolor_Aprot
MCTSSTSQLVNRNSPGSAAASTISSIVNPEGGAAGKTKCIECDGYECCCIPICTIL*

>H_hepaticicola_Aprot
MCSSTSHSLVNQNGPGSAAASTISAIKPEGGAAGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>C_longipes_Aprot
MCTSGSHSLVNHNGPGSAAASTISSIVKPEGGAAGKTKCIECDGYECCCIPICVVM*

>C_variabilis_Aprot
MCISSNSLVNRNGPGSAAASTISTIVKHQSGATGKTRCIECDGYECCCIPICTVM*

>A_encephaloides_Aprot
MCSNGLVNRNGPGSAAASTISSIVKPEGSAAGKIKCLECDGVDCCCIPIPCTVM*

>H_koreanus_Aprot
MCTTTSSGLVNRNGPGSAAASTISSIVKPETGATGKTKCFECDGVECCCIPIPCVVM*

>H_occultus_Aprot
MCTTTSSGLVNRNGPGSAAASTISSIVKPETGATGKTKCFECDGVECCCIPIPCVVM*

>H_linearis_Aprot
MCTSSSGLVNRNGLGSAAASTISSIVKPDGATGKTKCFECDGVECCCIPIPCVVM*

>H_infarciens_Aprot
MCTSSSSTLVNRNGPGSAAASTISSIVKPESGATGKTKCFECDGIDCCCIPIPCTVM*

>H_herbarum_Aprot
MCSSSSSSLVNRNGPGSAAASTISSIVKPESGATGKTKCFECDGVECCCIPIPCTVM*

>H_fructigenus_Aprot
MCTSSSSTLVNRNGPGSAAASTISSIVKPESGATGKTKCFECDGVECCCIPIPCTVM*

>H_scutula_Aprot
MCTTSSSSTLVNRNGPGSSASSTISSIVKPSTGATGKTKCFECDGVECCCIPIPCTVM*

>H_dingleyae_Aprot
MCTTSHTLVNRNGPGSAAASNVSIVKPDGGAAGKTKCFTCDGIDCCCIPICTVM*

>P_palmicola_Aprot
MCTSSSGLVNRNGPGSAAASTISSIVKPETGAAGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>G_lozoyensis_Aprot
MATSVHQTPVNANKPGSSAAASTISSIVKPETGKTKCLECDGYECCCIPIPCVVM*

>L_hyalina_Aprot
MCTSTSSSTLVNLNGPGSAAASTISSIVKPDGGAGGTKSFCIECDGFEECCCIPIPCTVM*

>L_subtilissima_Aprot
MCTSTSSALVNRNGPGSAAASTISSIVKPDGGAGGTQNFIECDGYNCCCIPIPCTVM*

>L_occidentalis_Aprot
MCĀSISTSTLVNRNGPGSAAASTISSIVKPDGGAAGMPKCIECDGISCCCLPIPCTVM*

>L_arida_Aprot
MCĀSTSTSLVNRNGPGSAAASTISSIVKPEAGAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>L_willkommii_Aprot
MCĀSTNSLVNRNGPGSAAASTISSIVKPEGGAAGKSKCLECDGVECCCIPIPCTVM*

>L_suecica_Aprot
MCTSSSSTGLVNRNGPGSAAASTISSIVKAEGGAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>P_dingleyae_Aprot
MCTSSSSTLVNRNGPGSAAASTISSIVKPEGGSSGKTKCIECDGFEECCCIPIPCTVM*

>P_radlicicola_Aprot
MCTSSSSQLVNRNGPGSAAASTISSIIKPEGSAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_crateriformis_Aprot
MCTSTTLTLVNRNGPGSAAASTISSIVKPEGAAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_cylindrospora_Aprot
MCTSTTFTLVNRNGPGSAAASTISSIVKPEGAAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>P_destructans_Aprot
MCQSTAPSFVNRNGPGSAAASNTISSIVKPEAPKKSCISCDGYDCCCIPLPCSIM*

>P_pannorum_Aprot
MCQSSAPSFVNRNGPGSAAASNTISSIVKPEAEKKKCFSCDGYDCCCIPIPCSVM*

>P_verrucosus_Aprot
MCQSSAPSFVNRNGPGSAAASTISSIVKPEAPKKSCISCDGYDCCCIPIPCSVM*

>A_pellizariae_Aprot
MPPSNTTGSSAASIISSIVKPEVSPCLDCGEYSCCCIPIPCTVM*

>A_resinae_Aprot
MCTATPSAPINHNPGSAAASNTISSIVKPEAGAAGKTKCLECDGFECCECIPIPCTVM*

>A_sarcoides_Aprot
MCTSTHILVDKNGPGSAAASTISTIVKPETGKTKCLECDGYDCCCIPIPCVVM*

>A_tetracladia_Aprot
MCTSTPNTLVNRNGPGSAAASTISSIVKSEGAGKTKCIECDGYECCCIPICTVM*

>C_acicularis_Aprot
MCQSSSTGLVNRNKGPSSAASSIISGIVKGGGTGGAGAGKTKCLECDGYECCCIPIPCVV
M*

>C_aeruginascenes_Aprot
MALITFTLANRNGPGSSAAASTVSSIVKPEAGSAGRTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>C_marina_Aprot
MCTTSPATLADRNGPGSVATSIVSGIVKPESGAAGKTRCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>G_debralockiae_Aprot
MCTSSSTLVNLNPGSSAASTISSIVKPETGAAGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>H_hymeniophilus_Aprot
MCTSSTVSLVNRNGPGSSAASTISSIVKPDSGAAGKTKCLECDGYECCCIPIPCTVM*

>H_varia_Aprot
MCSSASSTLVNRNGPGSAAASTISSIVKPDSGAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>M_aquatica_Aprot
MCTSSPTTLVNRNGPGSAAASTISSIVKGDGGAAGKTKCIECDGYECCCIPIPCTVM*

>O_maius_Aprot
MCFSTTHGLVSLNPGSSASSTISSLVKPESGTAGKTKCIECDGFECCECIPIPCTVM*

>S_lignicola_Aprot
MISSNSLVNHNHGGPGSSAASTISSIVKPETSTTGKTKCIECDGFECCECIPIPCTVM*

>V_echinocandica_Aprot

MRTSNSSLVNRNGPGSAAASTISSIVKPETGAAGKTKCLECDGYECCCIPIPTVM*