

Table S4. Count of the various virulence genes identified in the hypermucoviscous carbapenem-resistant *K. pneumoniae* isolates in the other investigated studies (Argentina, China, and India).

Virulence genes	Number of isolates
K1	5
K2	6
K20	6
non-typeable serotypes	15
<i>fim-H</i>	26
<i>mrkD</i>	10
<i>rmpA</i>	24
<i>magA</i>	6
<i>wcaG</i>	6
<i>Uge</i>	6
<i>repA</i>	5
<i>wabG</i>	27
<i>ycf</i>	27
<i>entA</i>	3
<i>entB</i>	28
<i>entD</i>	3
<i>entE</i>	3
<i>entF</i>	3
<i>iroN</i>	7
<i>iuc A</i>	3
<i>iuc B</i>	3
<i>iuc D</i>	3
<i>iutA</i>	28
<i>ybtA</i>	3
<i>ybtS</i>	21
<i>ybtU</i>	3
<i>ybtT</i>	3
<i>irp1</i>	3
<i>irp2</i>	3
<i>fyuA</i>	3
<i>Kfu</i>	4
<i>ureA</i>	27
<i>silS</i>	5
<i>terW</i>	5